



Tropical Animal Genetic Unit (TAGU)
Under the direction of
Danai Jattawa, Ph.D. (Animal Science)
Kasetsart University, Thailand E-mail: fagrndj@ku.ac.th

Our research areas are aimed to develop knowledge and technology in livestock animal genetics and breeding for increasing the efficiency of animal production raised under the tropical conditions.

Research Projects

Principal Investigator

2019 – 2020 Genomic imputation for non-genotyped dairy cattle to improve efficiency of Thai dairy breeding program

Co-Investigator

2019 – 2021 Innovation to capability development of farmers membered dairy cooperative for value adding and managing the risks of cattle milk production and milk business: A case study of Khon Kaen Dairy Cooperative Limited

2019 – 2021 Innovations for developing beef cattle network members with fair trade systems throughout the chain of commercial beef cattle production



Selected Publications

1. Laodim, T., M.A. Elzo, S. Koonawootrittriron, T. Suwanasopee and **D. Jattawa**. 2019. Pathway enrichment and protein interaction network analysis for milk yield, fat yield and age at first calving in a Thai multibreed dairy population. *Asian-Australasian J. Anim. Sci.* 32(4): 508-518.
2. Sarakul, M., M. A. Elzo, S. Koonawootrittriron, T. Suwanasopee, **D. Jattawa**, and T. Laodim. 2018. Characterization of biological pathways associated with semen traits in the Thai multibreed dairy population. *Anim. Rep. Sci.* 197: 324-334.
3. Laodim, T., M. A. Elzo, S. Koonawootrittriron, T. Suwanasopee, and **D. Jattawa**. 2017. Identification of SNP markers associated with milk and fat yields in multibreed dairy cattle using two genetic group structures. *Livest. Sci.* 206: 95-104.
4. **Jattawa, D.**, M. A. Elzo, S. Koonawootrittriron, and T. Suwanasopee. 2016. Genomic-polygenic and polygenic evaluations for milk yield and fat percentage using random regression models with Legendre polynomials in a Thai multibreed dairy population. *Livest. Sci.* 188: 133-141.
5. **Jattawa, D.**, M. A. Elzo, S. Koonawootrittriron, and T. Suwanasopee. 2016. Imputation Accuracy from Low to Moderate Density Single Nucleotide Polymorphism Chips in a Thai Multibreed Dairy Cattle Population. *Asian-Aust. J. Anim. Sci.* 29: 464 – 470.

Research Collaborations





คณะเกษตร, มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์

ภาควิชาสัตวบาล

เลขที่ 50 งามวงศ์วาน ลาดยาว, กรุงเทพฯ 10900



หน่วยพันธุศาสตร์สัตว์เขตร้อนชื้น

ภายใต้การดูแลโดย

อาจารย์ ดร.ดณัย จัตวา, ปรักษญาคุณวุฒิบัณฑิต สาขาวิชาสัตวศาสตร์ มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์, ประเทศไทย E-mail: fagrndnj@ku.ac.th

งานวิจัยของพวกเรามุ่งเน้นการพัฒนาองค์ความรู้และเทคโนโลยีด้านพันธุศาสตร์และการปรับปรุงพันธุ์สัตว์ เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตสัตว์ภายใต้การจัดการเลี้ยงดูในสภาพภูมิอากาศแบบร้อนชื้น

โครงการวิจัยที่ดำเนินงาน

โครงการวิจัยหลัก

2562 –2563 โครงการการพยากรณ์ข้อมูลจีโนมให้กับโคนมที่ไม่ถูกจีโนมไทยเพื่อเพิ่มประสิทธิภาพของแผนการปรับปรุงพันธุ์โคนมไทย

โครงการวิจัยร่วม

2562 – 2564 โครงการนวัตกรรมการพัฒนาความสามารถของเกษตรกรสมาชิกสหกรณ์โคนมเพื่อสร้างมูลค่าเพิ่มและจัดการความเสี่ยงสำหรับนมโคและธุรกิจนม: กรณีศึกษา สหกรณ์โคนมขอนแก่น จำกัด

2562 – 2564 นวัตกรรมพัฒนาสมาชิกเครือข่ายโคนมด้วยระบบการค้าที่เป็นธรรมตลอดห่วงโซ่การผลิตโคนมเชิงการค้า



ผลงานตีพิมพ์

1. Laodim, T., M.A. Elzo, S. Koonawootrittriron, T. Suwanasopee and **D. Jattawa**. 2019. Pathway enrichment and protein interaction network analysis for milk yield, fat yield and age at first calving in a Thai multibreed dairy population. *Asian-Australasian J. Anim. Sci.* 32(4): 508-518.
2. Sarakul, M., M. A. Elzo, S. Koonawootrittriron, T. Suwanasopee, **D. Jattawa**, and T. Laodim. 2018. Characterization of biological pathways associated with semen traits in the Thai multibreed dairy population. *Anim. Rep. Sci.* 197: 324-334.
3. Laodim, T., M. A. Elzo, S. Koonawootrittriron, T. Suwanasopee, and **D. Jattawa**. 2017. Identification of SNP markers associated with milk and fat yields in multibreed dairy cattle using two genetic group structures. *Livest. Sci.* 206: 95-104.
4. **Jattawa, D.**, M. A. Elzo, S. Koonawootrittriron, and T. Suwanasopee. 2016. Genomic-polygenic and polygenic evaluations for milk yield and fat percentage using random regression models with Legendre polynomials in a Thai multibreed dairy population. *Livest. Sci.* 188: 133-141.
5. **Jattawa, D.**, M. A. Elzo, S. Koonawootrittriron, and T. Suwanasopee. 2016. Imputation Accuracy from Low to Moderate Density Single Nucleotide Polymorphism Chips in a Thai Multibreed Dairy Cattle Population. *Asian-Aust. J. Anim. Sci.* 29: 464 – 470.

เครือข่ายงานวิจัย

